

Technicien-ne supérieur-e en séquençage haut-débit

Durée du contrat : 12 mois renouvelable

Diplôme souhaité : BAC+2 ou BAC+3 dans le domaine de la biologie moléculaire

Salaire basé sur la grille INRAE, suivant expérience

Date de prise de fonction : 1^{er} avril 2020

Date de fin de validité de l'annonce : 28 février 2020

Laboratoire d'accueil

Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux

INRAE & Université de Bordeaux

Campus Forêts-bois de Cestas-Pierroton

69 route d'Arcachon

33610 CESTAS

France

Contacts

Erwan Guichoux (erwan.guichoux@inrae.fr) et Olivier Lepais (olivier.lepais@inrae.fr)

Contexte :

La Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux (PGTB) est une structure académique spécialisée en séquençage et en génotypage. La PGTB développe et propose des services faisant appel à des technologies émergentes moyen et haut débit reposant sur le séquençage d'ADN (séquençage de courts et longs fragments d'ADN, reséquençage et métagénomique ciblée, séquençage de petits génomes et de transcriptome), la recherche et le génotypage de mutations (SNP et microsatellites), la quantification de l'expression de gènes, l'analyse d'ADN environnemental, sensible ou ancien en laboratoire confiné ainsi des services de support en matière d'analyse de biologie moléculaire courant (quantification d'acides nucléiques, contrôle de qualité, préparation de librairies, ...). Vous travaillerez au quotidien au sein de l'équipe de la PGTB composée de 6 ingénieurs, sur le campus Forêts-bois de Cestas-Pierroton.

Missions :

Vous serez impliqué(e) dans toutes les étapes de préparation des librairies et du séquençage haut-débit utilisant les séquenceurs Illumina MiSeq & iSeq100 de la Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux :

- Préparation des librairies en manuel ou sur robot
- Validation des librairies (quantification et contrôle des tailles)
- Lancement des runs de séquençage
- Maintenance des séquenceurs
- Participation au suivi et à la traçabilité des analyses

Compétences attendues :

- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences.

- Connaître et savoir appliquer les risques et les règles d'hygiène et de sécurité d'un laboratoire de biologie moléculaire.
- Savoir utiliser les outils informatiques (logiciels de bureautique).
- Bonne maîtrise de l'anglais permettant de lire et comprendre un protocole.
- Sens de l'organisation, esprit d'équipe et goût du travail soigné sont attendus.
- Une expérience préalable en séquençage haut-débit est un plus.

Procédure de candidature

Le dossier de candidature est à envoyer par courriel à :

Erwan Guichoux (erwan.guichoux@inrae.fr) et Olivier Lepais (olivier.lepais@inrae.fr)

Indiquer en objet de courriel : « Candidature Technicien-ne supérieur-e en séquençage haut-débit».

Le dossier comprendra une lettre de motivation et un curriculum vitae détaillé. Le dossier doit être envoyé avant le 28 février 2020. Les entretiens seront réalisés entre le 9 et le 13 mars 2020.